

Szanowni Państwo,

Serdecznie zapraszamy do lektury naszej najnowszej odsłony newslettera. W tym wydaniu skupimy się na nowościach technologicznych oferowanych przez firmę Illumina oraz Hamilton.

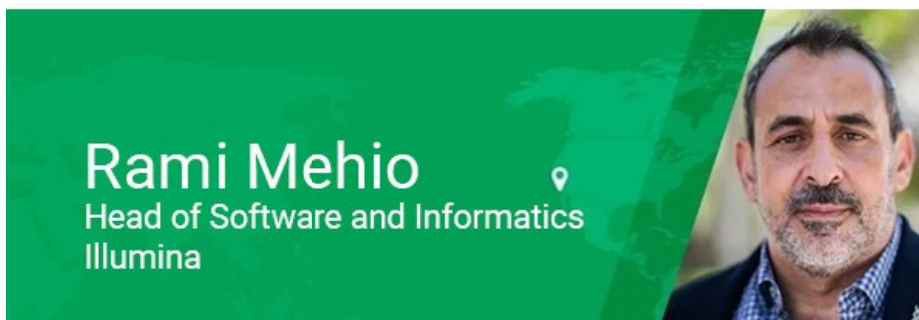


## CIEKAWY MATERIAŁY EDUKACYJNE



Wywiad

### **Wyzwania i osiągnięcia w analizie danych genomowych**



**Rami Mehio**

Head of Software and Informatics  
Illumina

Wywiad przeprowadzony z kierownikiem działu oprogramowania oraz informatyki w Illumina. Rami Mehio dzieli się doświadczeniami i spostrzeżeniami zdobytymi podczas pracy w ramach dużych projektów genomicznych (między innymi sekwencjonowanie WGS w UK Biobank) oraz omawia wyzwania i innowacje w analizie danych genomowych.

[Więcej](#)

Webinarium

**Badania multiomiczne z wykorzystaniem technologii Illumina oraz 10X Genomics z perspektywy akredytowanego laboratorium usługowego Genseq**

Ekscytujące webinarium, zorganizowane przez 10X Genomics, Illumina oraz Genseq. Wiodącym tematem spotkania są metody i procedury sekwencjonowania pojedynczych komórek oraz analiz przestrzennych w laboratoriach akredytowanych CAP (Certified Analytics Professional).

Więcej



illumina®

### **Archeologia w nowej odsłonie: sekwencjonowanie 5 tysięcy starożytnych genomów ludzkich!**

Niezwykły wysiłek, wiedza oraz zaangażowanie wielu specjalistów doprowadziły do publikacji czterech artykułów w czasopiśmie Nature, opisujących badania w których znaczną rolę odegrało sekwencjonowanie następnej generacji (NGS) i wysokoprzepustowe sekwenatory NovaSeq. Zespół pod przewodnictwem Eske Willersleva podjął się ...

Otwórz

## **NOWOŚCI OD PARTNERÓW**

### **Technologia długich odczytów od Illumina!**

Technologia Illumina Complete Long Read, to przełomowe osiągnięcie w dziedzinie genomiki oraz sekwencjonowania następnej generacji, które otwiera ścieżkę do głębszego zrozumienia niedostępnych dotychczas obszarów genomu.

Jest to kompleksowe rozwiązanie integrujące krótkie i długie odczyty na jednej platformie, zapewniające lepsze zrozumienie złożoności całego genomu ludzkiego...

Rozwiń

## Najnowsze odczynniki do sekwencjonowania z serii NovaSeq X oraz NextSeq 2000

Najnowsza komórka przepływowa (flow cell) kompatybilna z sekwenatorem NovaSeq X pozwala na rozszerzenie skali sekwencjonowania i większe możliwości optymalizacji kosztów. NovaSeq™ X Series 1,5B Reagent Kit umożliwia wygenerowanie około 1,6 miliarda odczytów w trybie pojedynczych odczytów oraz 3,2 miliarda odczytów sparowanych. Oferowane zakresy długości sekwencjonowania to: 100, 200 oraz 300 cykli, przy ilości ...



Rozwiń

## Analiza wariantów na podstawie cfDNA **Illumina Cell-Free DNA Prep with Enrichment**

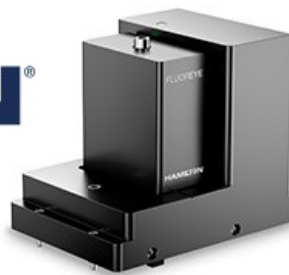
Wolnokrążące DNA (cfDNA) z krwi obwodowej coraz częściej wykorzystywane jest jako nieinwazyjny biomarker chorób nowotworowych, sercowo-naczyniowych oraz przeszczepów narządów. Sekwencjonowanie cfDNA z próbek biopsji płynnych dostarcza cennych informacji na temat heterogenności nowotworu, umożliwia profilowanie

biomarkerów, uzupełnienia lub stanowi alternatywę dla próbek biopsji tkankowej.

Rozwiń

## Zautomatyzowana detekcja fluorescencji zintegrowana ze stacjami pipetującymi Hamilton, dzięki innowacyjnemu modułowi FluorEye

**HAMILTON**®



Wolnokrążące DNA (cfDNA) z krwi obwodowej coraz częściej wykorzystywane jest jako nieinwazyjny biomarker chorób nowotworowych, sercowo-naczyniowych oraz przeszczepów narządów. Sekwencjonowanie cfDNA z próbek biopsji płynnych dostarcza cennych informacji na temat heterogenności nowotworu, umożliwia profilowanie biomarkerów, uzupełnienia lub stanowi alternatywę dla próbek biopsji tkankowej.

Rozwiń

**Telefon:22 552 67 16**

**Email: [biuro@analitikgenetyka.pl](mailto:biuro@analitikgenetyka.pl)**



**Analityk Genetyka Unrug Wójtowicz s.k.**  
**Żwirki i Wigury 101**  
**02-089 Warszawa**

**[www.analitykgenetyka.pl](http://www.analitykgenetyka.pl)**

