

Szanowni Państwo,

Serdecznie zapraszamy do lektury naszej najnowszej odśrody newslettera. W tym wydaniu skupimy się na nowoczesnych narzędziach oferowanych przez firmę 10X Genomics oraz LevitasBio, działających w obszarze analiz na poziomie pojedynczych komórek.

CIEKAWY MATERIAŁY EDUKACYJNE



illumina®

e-book



Kompleksowe profilowanie genomowe w onkologii

Kompleksowe profilowanie genomowe (CGP) kluczem do lepszego zrozumienia zmian na poziomie genetycznym oraz ich wpływu na

ścieżki leczenia.

Więcej

Materiały na żądanie

Epigenetyka

W ramach webinarium, Prof. Martin Widschwendter z University of Innsbruck & UCL dzieli się wiedzą na temat roli metylomu komórek szyjki macicy w przewidywaniu ryzyka i wczesnej detekcji raka jajnika. Natomiast dr Sonia Garcia-Calzon z Lund University przedstawia badania dotyczące metylacyjnych markerów ryzyka w cukrzycy typu 2 (T2D).

Więcej

NovaSeq X - dostępne aplikacje NGS



illumina®
e-book

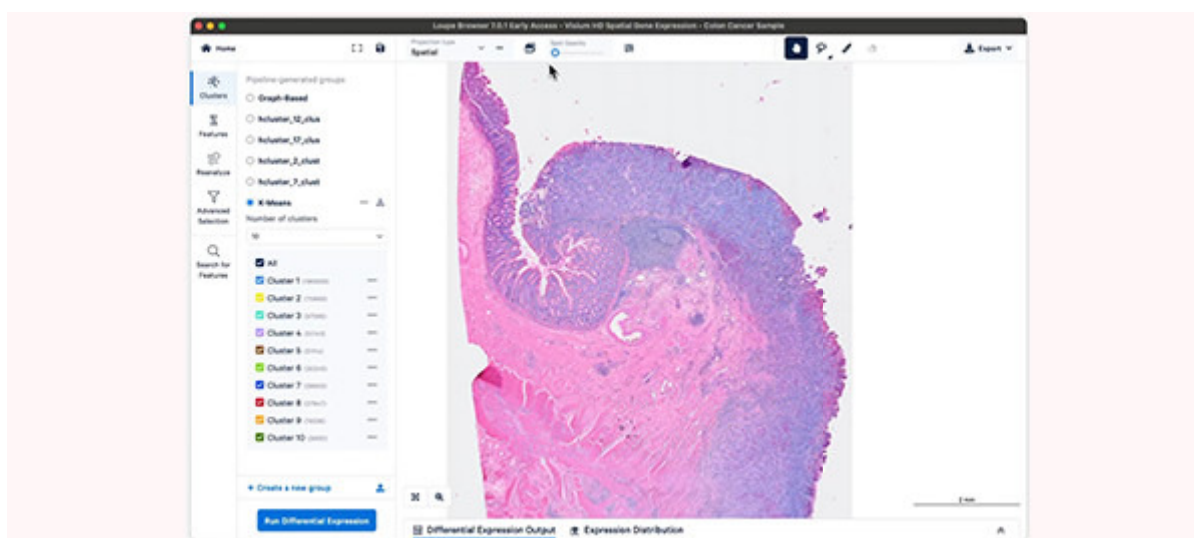
Odkryj szeroką gamę aplikacji możliwych dzięki adaptacyjnej przepustowości i uproszczonemu interfejsowi w sekwenatorach z serii NovaSeq X.

[Otwórz](#)

NOWOŚCI OD PARTNERÓW

Visium HD Gene Spatial Gene Expression transkryptomika przestrzenna z rozdzielczością na poziomie pojedynczej komórki!

Obecnie w badaniach biologicznych oraz medycznych technologia transkryptomiki przestrzennej staje się kluczowym narzędziem, pozwalającym na analizę złożonych procesów z uwzględnieniem ich lokalizacji. Wraz z postępem w tej dziedzinie, badacze zdolni są przenikać przez bariery, które wcześniej ograniczały precyzyjną analizę ekspresji genów w skrawkach tkanek. Jednym z przełomowych rozwiązań jest technologia Visium Spatial Gene Expression, której wykorzystanie przyczyniło się do powstania wielu ważnych naukowych...



[Rozwiń](#)

Nowa Era Wzbogacania Komórek LeviSelect™ Kits z technologią lewitacji

Współczesne technologie analizy pojedynczych komórek przyczyniły się do znaczących postępów i odkryć w biologii translacyjnej. Jednakże, aby sprostać wysokim standardom jakości danych oraz ilości użytecznych informacji uzyskiwanych w każdym eksperymencie, konieczne jest ciągle rozwijanie narzędzi do pracy z pojedynczymi komórkami. Jednym z kluczowych elementów wpływających na jakość danych uzyskiwanych z sekwencjonowania pojedynczych komórek są metody przygotowania próbek. Tradycyjne metody takie jak np. cytometria przepływowa lub wirowanie w gradiencie mogą powodować zmiany...

[Rozwiń](#)

Telefon:22 552 67 16

Email: biuro@analitykgenetyka.pl



**Analityk Genetyka Unrug Wójtowicz s.k.
Żwirki i Wigury 101
02-089 Warszawa**

www.analitykgenetyka.pl

